

	Nombre	Coordinador/a	Correo electrónico	Teléfono	Institución	Local de realización del curso	Objetivos del curso	Requisitos de inscripción	Fecha	Carga horaria	Fecha de cierre de inscripciones
BR06	Curso em Biossegurança em Laboratórios de Alta Contenção Biológica (NB-3) e Demonstrações em Máxima Contenção (NB-4)	Tatiana Ometto de Araujo	tatiana.ometto@cnpe.m.br	+55 11 98133-9033	Centro Nacional de Pesquisa em Energia e Materiais (CNPEM)	Centro de Treinamento em Biossegurança do CNPEM, Campinas/SP	Capacitar profissionais para atuação segura em NB-3; aproximação prática e conceitual com NB-4; princípios de biossegurança, avaliação e gerenciamento de risco; uso correto de EPIs; transporte de amostras; cabines de segurança, sistemas HVAC, qualidade, cultura de biossegurança e ciberproteção.	Matrícula ativa em pós-graduação; formação acadêmica em Ciências Biológicas ou da Saúde (Biologia, Biotecnologia, Biomedicina, Farmácia, Medicina, Medicina Veterinária ou correlatas).	Dias úteis entre 10 e 21 de agosto de 2026	80 horas (40% teórico; 60% prático)	10 de junho de 2026
BR07	Escola de Fermentações: Integração de Bioprocessos para Escalonamento e Aplicações Industriais	Maria Alice Zarur Coelho	alice@eq.ufrj.br	(21) 99941-4570	Universidade Federal do Rio de Janeiro (UFRJ)	Avenida Athos da Silveira Ramos, Centro de Tecnologia, Bloco E (Escola de Química), sala E103, Universidade Federal do Rio de Janeiro, Cidade Universitária, Rio de Janeiro/RJ	Capacitar em bioprocessos industriais: uso de incubadoras orbitais, biorreatores e softwares; extrapolação de escala; integração teoria-prática; biossegurança aplicada a processos; escala piloto e seminário final avaliativo.	O público-alvo são alunos de pós-graduação e funcionários de empresas que atuam na área de Biotecnologia Industrial, Processos Fermentativos. Como requisito básico, os alunos deverão ter graduação, em Engenharia Química, Engenharia de Bioprocessos, Engenharia de Alimentos, Engenharia Agrônoma, Engenharia Industrial, Engenharia Zootecnista, Farmácia, Bioquímica, Química Industrial, Ciências Biológicas, Biotecnologia e áreas correlatas que certifiquem conhecimentos de Química e Biologia suficientes, obtido em um dos países da América Latina.	Teoria remota: 08 a 11 de setembro de 2026; Prática presencial: 14 a 18 de setembro de 2026	80 horas (33h teóricas remotas; 47h práticas presenciais)	08 de julho de 2026
BR01	Sequenciamento Genômico em Nanoporos e Bioinformática para a Análise de Amostras Microbianas <u>1ª EDIÇÃO</u>	Valdir Marcos Stefenon	valdir.stefenon@ufsc.br	(48) 98816-1972	Universidade Federal de Santa Catarina (UFSC)	Laboratório de Fisiologia do Desenvolvimento e Genética Vegetal (LFDGV), CCA/UFSC, Rod. Admar Gonzaga, 1346, Itacorubi, Florianópolis/SC	Treinar em NGS de terceira geração (nanoporos) e bioinformática: preparo de bibliotecas, sequenciamento com flow cells R10.4.1, basecalling (Dorado), classificação taxonômica e previsão funcional de metagenomas; configuração de ambientes computacionais e uso de pipelines.	Alunos de mestrado/doutorado/pós-doc, técnicos ou docentes vinculados a programas de pós-graduação nas áreas de Ciências Agrárias, Biológicas ou afins.	Teoria online: 08 a 11 de junho de 2026; Práticas presenciais: 06 a 11 de julho de 2026	80 horas (32h teóricas; 48h práticas)	6 de mayo de 2026
BR02	Sequenciamento Genômico em Nanoporos e Bioinformática para a Análise de Amostras Microbianas <u>2ª EDIÇÃO</u>	Valdir Marcos Stefenon	valdir.stefenon@ufsc.br	(48) 98816-1972	Universidade Federal de Santa Catarina (UFSC)	Laboratório de Fisiologia do Desenvolvimento e Genética Vegetal (LFDGV), CCA/UFSC, Rod. Admar Gonzaga, 1346, Itacorubi, Florianópolis/SC	Treinar em NGS de terceira geração (nanoporos) e bioinformática: preparo de bibliotecas, sequenciamento com flow cells R10.4.1, basecalling (Dorado), classificação taxonômica e previsão funcional de metagenomas; configuração de ambientes computacionais e uso de pipelines.	Alunos de mestrado/doutorado/pós-doc, técnicos ou docentes vinculados a programas de pós-graduação nas áreas de Ciências Agrárias, Biológicas ou afins.	Teoria online: 08 a 11 de junho de 2026; Práticas presenciais: 20 a 25 de julho	80 horas (32h teóricas; 48h práticas)	6 de mayo de 2026
BR03	Sequenciamento Genômico em Nanoporos e Bioinformática para a Análise de Amostras Microbianas <u>3ª EDIÇÃO</u>	Valdir Marcos Stefenon	valdir.stefenon@ufsc.br	(48) 98816-1972	Universidade Federal de Santa Catarina (UFSC)	Laboratório de Fisiologia do Desenvolvimento e Genética Vegetal (LFDGV), CCA/UFSC, Rod. Admar Gonzaga, 1346, Itacorubi, Florianópolis/SC	Treinar em NGS de terceira geração (nanoporos) e bioinformática: preparo de bibliotecas, sequenciamento com flow cells R10.4.1, basecalling (Dorado), classificação taxonômica e previsão funcional de metagenomas; configuração de ambientes computacionais e uso de pipelines.	Alunos de mestrado/doutorado/pós-doc, técnicos ou docentes vinculados a programas de pós-graduação nas áreas de Ciências Agrárias, Biológicas ou afins.	Teoria online: 08 a 11 de junho de 2026; Práticas presenciais: 03 a 08 de agosto de 2026	80 horas (32h teóricas; 48h práticas)	6 de mayo de 2026

AR05	<p>PLATAFORMAS SUPRAMOLECULARES INTELIGENTES PARA UN ENFOQUE DE UNA SOLA SALUD</p>	<p>Nestor Mariano Correa y Natalia Belén Rumie Vittar</p>	<p>mcorrea@exa.unrc.edu.ar; nrumievittar@exa.unrc.edu.ar</p>	<p>(549)3586022323</p>	<p>Departamento de Química. Facultad de Ciencias Exactas, Físico-Químicas y Naturales (FCEFYQyN). UNRC. Instituto para el Desarrollo Agroindustrial y de la Salud (IDAS). CONICET-UNRC.</p>	<p>Departamento de Química. Facultad de Ciencias Exactas, Físico-Químicas y Naturales (FCEFYQyN). UNRC. Instituto para el Desarrollo Agroindustrial y de la Salud (IDAS). CONICET-UNRC. - Río Cuarto - Pcia de Córdoba</p>	<p>El objetivo general de este curso es promover los conocimientos sobre el desarrollo y aplicación de plataformas supramoleculares inteligentes, diseñadas racionalmente a partir de una comprensión profunda de interacciones moleculares débiles y/o específicas, para abordar desafíos estratégicos en salud humana y animal, producción sustentable y remediación ambiental, mediante un enfoque interdisciplinario. Formar especialistas capaces de diseñar, caracterizar y evaluar plataformas supramoleculares inteligentes aplicables a un enfoque One Health, con énfasis en su aplicación a la nanomedicina antitumoral y la traslación preclínica (diseño racional, estrategias de direccionamiento, evaluación in vitro e in vivo y aspectos regulatorios y éticos). Promover los conocimientos sobre el desarrollo y evaluación de terapias basadas en la nanotecnología para ser aplicadas en sanidad animal. Analizar conceptos generales de la degradación de contaminantes por métodos fotoquímicos, con énfasis en los fundamentos, mecanismos y aplicaciones de los procesos avanzados de oxidación y los procesos fotosensibilizados en sistemas ambientales.</p>	<p>Dirigido a estudiantes de carreras de doctorados y maestrías egresados de carreras de grado como Química, Microbiología, Farmacia, Bioquímica, Biotecnología, Medicina, Medicina Veterinaria y carreras afines.</p>	<p>3 al 14 de agosto de 2026</p>	<p>80 horas totales. 40 horas de clases teóricas y 40 horas de clases prácticas.</p>	<p>05 de Junio de 2026</p>
AR08	<p>Estrategias basadas en la aplicación de ARNs exógenos para una agricultura sustentable</p>	<p>María Eugenia Zanetti y Flavio Blanco</p>	<p>ezanetti@biol.unlp.edu.ar; fablanco@biol.unlp.edu.ar</p>	<p>(549)2213039861/ (549)2215479767</p>	<p>Instituto de Biotecnología y Biología Molecular, CONICET- Universidad Nacional de La Plata</p>	<p>Instituto de Biotecnología y Biología Molecular, CONICET- Universidad Nacional de La Plata - La Plata - Pcia. de Buenos Aires</p>	<p>El curso tiene como objetivo dotar a los estudiantes del conocimiento, las herramientas experimentales y la competencia para comprender y eventualmente adoptar estrategias biotecnológicas basadas en la aplicación de ARNs exógenos en cultivos para la transición hacia una agricultura sustentable. La participación de docentes-investigadores del sector académico e integrantes de APOLO Biotech busca promover la interacción entre los centros científicos y el sector productivo.</p>	<p>El curso está dirigido a Licenciados en Biología, Biología Molecular, Biotecnología, Bioquímica, Farmacia o Química. Los postulantes deberán estar realizando un doctorado o maestría de especialización profesional en el área de Biología Molecular y/o Biotecnología dentro de la temática del curso. Las dos vacantes del sector privado/regulatorio estarán destinadas a personas que trabajen en empresas que utilicen o prevean utilizar tecnologías basadas en ARNs o que trabajen en organismos regulatorios relacionados con la biotecnología vegetal.</p>	<p>19 al 24 de octubre de 2026</p>	<p>45h. 15 horas teóricas, 29 horas experimentales y 1 hora de evaluación (65% de actividades experimentales)</p>	<p>21 de agosto de 2026</p>

AR09	<p>Inmunoterapia en cáncer y Medicina de Precisión: Herramientas Computacionales para el Análisis "Omico" de Células Individuales.</p>	Mariana Maccioni y Nicolás Gonzalo Nuñez	<p>mariana.maccioni@unc.edu.ar; nicolas.nunez@unc.edu.ar</p>	<p>(549)3513478887/ (549)3516154687</p>	<p>Departamento de Bioquímica Clínica. Facultad de Ciencias Químicas. UNC. Centro de Investigación en Bioquímica Clínica e Inmunología. CIBICI-CONICET.</p>	<p>Departamento de Bioquímica Clínica. Facultad de Ciencias Químicas. UNC. Centro de Investigación en Bioquímica Clínica e Inmunología. CIBICI-CONICET. Pcia de Cordoba</p>	<p>El curso está orientado a estudiantes de posgrado y jóvenes investigadores latinoamericanos, y combina formación teórica con entrenamiento práctico en análisis de datos ómicos. Por las mañanas, se discutirán los aspectos conceptuales y clínicos de la inmunoterapia y las tecnologías de análisis de célula única, acompañados de conferencias dictadas por especialistas invitados. Por las tardes, los participantes recibirán entrenamiento personalizado en métodos computacionales y estadísticos en R, aplicando herramientas como Seurat y ArchR para el análisis de datos de transcriptómica y accesibilidad cromatínica de célula única, así como el módulo espacial de Seurat y cytomapper para la exploración y visualización de datos de transcriptómica espacial e imagenología multiplex (incluyendo plataformas como Akoya Phenolmager). Se introducirá además el flujo general de procesamiento de datos de célula única (por ejemplo, pipelines como Cell Ranger) para contextualizar las etapas previas al análisis. Cada grupo de 4-5 estudiantes trabajarán junto a un docente en el análisis de un dataset asignado, culminando con una presentación final de resultados. Este formato intensivo y presencial busca fomentar el intercambio científico, fortalecer capacidades regionales en bioinformática aplicada a las ciencias biomédicas y promover una red colaborativa de investigadores en biotecnología aplicada a la salud humana. Esperamos fomentar discusiones productivas y de alto nivel, y crear un ambiente de apoyo para investigadores y aprendices en etapas tempranas de sus carreras, lo que impactará en la calidad de nuestra investigación, enseñanza y sistemas de salud.</p>	<p>El curso está destinado a estudiantes graduados que se encuentran realizando su doctorado, así como becarios postdoctorales e investigadores jóvenes involucrados en la investigación en ciencias biomédicas.</p>	<p>9 al 13 de Noviembre de 2026</p>	<p>45 horas</p>	<p>11 de septiembre de 2026</p>
AR10	<p>Biotecnología industrial de Levaduras: optimización, modelado y escalado de fermentaciones</p>	Diego Libkind y Andrea Trochine	<p>libkindfd@comahue-conicet.gov.ar; atrochine@comahue-conicet.gov.ar</p>	<p>(549) 2944623911/ (549)2944314665</p>	<p>Centro de Referencia en Levaduras y Tecnología Cervecera (CRELTEC)</p>	<p>Centro de Referencia en Levaduras y Tecnología Cervecera (CRELTEC). San Carlos de Bariloche - Pcia de Rio Negro</p>	<p>Brindar una formación avanzada y aplicada en biotecnología industrial de levaduras, integrando herramientas de diseño experimental, modelado estadístico y escalado de fermentaciones, con el fin de optimizar bioprocesos desde una perspectiva científica, tecnológica y sustentable.</p>	<p>Requisitos de los estudiantes: Graduados y posgraduados en Biotecnología, Ingeniería de Alimentos, Biología, Microbiología o afines. Profesionales vinculados a empresas con uso industrial de levaduras.</p>	<p>23 de Noviembre al 04 de diciembre de 2026</p>	<p>80 horas, 46 Teórica - 54 Practica</p>	<p>25 de Septiembre de 2026</p>
PE04	<p>Genómica de Poblaciones Humanas: De la secuenciación a la bioinformática para el análisis de la variabilidad y ancestría genética en poblaciones americanas poco estudiadas</p>	Ricardo Fujita	<p>rfujitaa@usmp.pe</p>	<p>(51)997054985</p>	<p>Universidad San Martín de Porres (USMP)</p>	<p>Centro de Investigación de Genética y Biología Molecular. Facultad de Medicina Humana. USMP. La Molina, Lima.</p>	<p>Formar jóvenes investigadores y fortalecer capacidades científicas y técnicas en el ámbito de la genómica de poblaciones humanas mediante la integración de conocimientos teóricos y habilidades prácticas en secuenciación, bioinformática y análisis de variabilidad genética, con especial énfasis en poblaciones autóctonas americanas poco estudiadas.</p>	<p>Dirigido a investigadores, docentes universitarios, profesionales y estudiantes de posgrado pertenecientes a universidades, centros de investigación y laboratorios públicos o privados de los países miembros de CABBIO, que desarrollen o tengan interés en investigación en genómica de poblaciones, bioinformática, medicina de precisión y biotecnologías ómicas, y que cuenten con conocimientos básicos en genética, biología molecular y bioinformática, priorizándose la participación de instituciones o regiones con capacidades limitadas en genómica.</p>	<p>Teoría online: 06 a 10 de julio 2026; Prácticas presenciales: 13 a 19 de julio 2026.</p>	<p>80 horas (32h teóricas; 48h prácticas)</p>	<p>6 de mayo de 2026</p>

UR11	IV Semana Latinoamericana de Electroquímica Microbiana	Angela Cabezas/René	angela.cabezas@utec.edu.uy rene.cardena@utec.edu.uy	(+598) 98402208	Universidad Tecnológica (UTEC)	Departamento de Sostenibilidad Ambiental / Instituto Tecnológico Centro-Sur, dirección: Francisco Antonio Maciel y Luis Morquío, DURAZNO, Uruguay	Fortalecer la formación de recursos humanos en electroquímica microbiana, integrando conocimientos teóricos y prácticos orientados a la aplicación de sistemas bioelectroquímicos en bioenergía, tratamiento de efluentes y producción de bioproductos, promoviendo la innovación tecnológica, la sostenibilidad y la cooperación científica regional entre los países CABBIO.	Estudiantes avanzados de grado (últimos años de carreras en Biotecnología, Química, Ingeniería, Ciencias Biológicas, Ciencias Ambientales o afines) y estudiantes de posgrado (maestría y doctorado) matriculados en programas vinculados a estas áreas.	TEORÍA VIRTUAL(20 al 24 de julio); PRÁCTICA PRESENCIAL (27 al 31 de julio)	TOTAL: 80Horas TEORICA: 40 Horas LABORATORIO: 40 Horas	20 de mayo de 2026
UR12	Herramientas biocatalíticas: Diseño, optimización y aplicaciones	Paula Rodríguez, Larissa Gioia y Agustina Vila	paularod@fq.edu.uy lgioia@fq.edu.uy avila@fq.edu.uy	(+598)99469948	Facultad de Química, UDELAR	Facultad de Química de la Universidad de la República (UdelaR), ubicada en la calle General Flores 2124, MONTEVIDEO, Uruguay	Promover el uso de la biocatálisis y las biotransformaciones como herramientas de la química verde en la formación de estudiantes de posgrado en la región.	Estudiantes de posgrado que cuenten con formación en áreas como Química, Bioquímica, Biotecnología, Biología y otras carreras afines.	28/09/2026 al 02/10/2026	TOTAL: 41 Horas TEORICA: 19 Horas PRÁCTICO: 22 Horas	28 de julio de 2026
UR13	APTÁMEROS EN BIOTECNOLOGÍA: PRINCIPIOS Y APLICACIONES	Victoria Calzada	vcalzada@fcien.edu.uy	(+598)25250800	Facultad de Ciencias – Universidad de la República (UDELAR)	Área Radiofarmacia – Centro de Investigaciones Nucleares. Dirección: Matajojo 2055, MONTEVIDEO, Uruguay	El objetivo general de este curso es fomentar la formación de recursos humanos en aptámeros. Abordamos la creciente necesidad de profesionales cualificados capaces de desarrollar y aplicar biotecnologías basadas en aptámeros.	Los estudiantes del curso podrán ser estudiantes de maestría o doctorado, así como postdoctorandos, que estén relacionados a la temática mediante sus proyectos de investigación. Serán considerados los profesionales en áreas de actuación como las Biotecnología, Biociencias, Biomedicina, Bioquímica, Biología, Química, Ciencias Ambientales, Microbiología, Parasitología o similares.	Teórico Virtual: 28/09 al 02/10; Prácticas presenciales: 05/10 al 09/10.	TOTAL: 80Horas TEORICA: 40 Horas PRÁCTICO: 40 Horas	05 de agosto de 2026
PE14	Secretoma de Células Madre Mesenquimales: Producción, caracterización	Rafael Tapia	rafael.tapia@untrm.edu.pe	(51) 982 621 431	Universidade Nacional Toribio Rodríguez de Mendoza de Amazonas	Instituto de Investigación en Enfermedades Tropicales	Fortalecer las capacidades teóricas y prácticas de los participantes en el desarrollo, producción y caracterización del secretoma de células madre mesenquimales, mediante la aplicación de metodologías estandarizadas y reproducibles, orientadas a su uso en inmunomodulación, medicina regenerativa y terapias avanzadas en el contexto de la biotecnología aplicada a la salud humana. Esta brecha limita la comprensión de la diversidad biológica y su aplicación en investigación biomédica, salud pública y medicina de precisión.	El curso está dirigido a estudiantes de posgrado (maestría y doctorado), investigadores, docentes universitarios y profesionales de áreas afines a la biomedicina, biotecnología, medicina humana y veterinaria, farmacia y ciencias biológicas, cuyas actividades académicas o profesionales se relacionen con el estudio, producción y aplicación del secretoma de células madre mesenquimales y su rol en terapias avanzadas.	Teoría online: 17 a 21 de agosto de 2026; Prácticas presenciales: 24 a 28 de agosto de 2026.	80 horas (32 horas de teoría; 48 horas de práctica)	12 de junio de 2026

PE15	Tecnología Multiplex de Microesferas para el Diagnóstico y vigilancia de Patógenos Asociados a Síndromes Febriles	Stella Maris Chenet Carrasco	stella.chenet@untrm.edu.pe	(+51) 928638490	Universidad Nacional Toribio Rodríguez de Mendoza de Amazonas	Instituto de Investigación en Enfermedades Tropicales	Diseñar y ejecutar un curso teórico-práctico orientado a la capacitación de profesionales e investigadores en el uso de la tecnología multiplex de microesferas como herramienta biotecnológica innovadora para el diagnóstico y vigilancia de patógenos asociados a síndromes febriles, contribuyendo al fortalecimiento de capacidades científico-técnicas en el país, a la transferencia tecnológica y a la consolidación de redes de cooperación internacional en el marco del Centro Latinoamericano de Biotecnología (CABBIO).	Se destina a investigadores, profesores, profesionales y estudiantes de posgrado de universidades, centros de investigación y laboratorios públicos o privados de los países miembros de CABBIO, que posean conocimientos básicos en biología molecular y deseen capacitarse en el uso de la tecnología multiplex de microesferas como herramienta innovadora para el diagnóstico y vigilancia de patógenos asociados a síndromes febriles, con el objetivo de fortalecer las capacidades científico-técnicas, promover la transferencia tecnológica y consolidar redes de cooperación internacional en el marco de CABBIO.	Teoría presenciales: 06 a 10 de julio 2026; Prácticas presenciales: 13 a 19 de julio 2026.	100 horas (40h teóricas; 60h prácticas)	29 de mayo de 2026
------	-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	------------------------------	----------------------------------------------------------------------------	-----------------	---------------------------------------------------------------	-------------------------------------------------------	--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------	-----------------------------------------------	--------------------